

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор®

Логотип

Дата 26 Июль 2022, 14:54:54
Номер пробики 1026210020
Ф.И.О. пациента Донских Андрей Сергеевич
Пол мужской
Возраст 36
Организация 7022, Москва, ул. Ангарская, д. 28 корп.2 (Петровско-Разумовская)
Врач
Примечание

Информация о лаборатории

Идентификатор образца: S138893

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)
	Геномная ДНК человека	10 4.7	☐
1	Общая бактериальная масса	10 5.4	☐
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	☐
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	
4	Streptococcus spp.	не выявлено	
5	Corynebacterium spp.	10 4.1	-1.3 (4- 6%)
	Сумма: Нормофлора	10 4.1	-1.3 (4- 6%) ☒
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	☐
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	10 4.5	-0.9 (11-14%) ☐
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	☐
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	☐
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	☐
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	☐
12	Atopobium cluster	10 4.3	-1.1 (7- 9%) ☐
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	10 4.7	-0.7 (17-24%) ☐
УПМ анаэробы			
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	10 5.2	-0.2 (54-73%) ☒
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	☐
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	10 4.9	-0.5 (27-36%) ☐
16	Eubacterium spp.	10 4.5	-0.9 (11-14%) ☐
	Сумма: УПМ анаэробы	10 5.4	0.0 (85-100%) ☒
УПМ Haemophilus spp.			
17	Haemophilus spp.	10 4.0	-1.4 (3- 5%) ☐
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.			
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	☐
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	10 3.5	-1.9 (1.1-1.4%) ☐
Дрожжевые грибы			
20	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	☐
Патогены			
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	☐
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	☐
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	☐
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	☐

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

логарифмическая шкала Lg

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

Candida spp. ниже порогового значения.

Структура бактериального микробиома не соответствует норме: баланс нормальной и условно-патогенной микрофлоры значительно нарушен

Исследование выполнил:

Дата:
Подпись:

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор, АндрофлорСкрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзитная микрофлора):

- ☐ - соответствие критериям
- ☒ - не соответствие критериям

Нормофлора (сумма):

- ☒ - соответствие критериям нормы
- ☒ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:

- ☐ - соответствие критериям нормы
- ☒ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- ☐ - не выявлено
- ☒ - обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как нормальное состояние микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. Int J STD AIDS, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов – на <http://www.dna-technology.ru>.